Luise Anna Haag

Dr. med.

Charakterisierung von Epstein-Barr-Virus DNA im Speichel transplantierter Patienten

Fach/Einrichtung: Deutsches Krebsforschungszentrum (DKFZ)

Doktorvater: Prof. Dr. Dr. Henri-Jacques Delecluse

Weltweit sind ca. 95% der adulten Bevölkerung mit dem Epstein-Barr-Virus (EBV) infiziert.

Das Virus wird oral übertragen, nach Infektion persistiert es lebenslang im Körper und wird in

unregelmäßigen Abständen erneut über den Speichel abgegeben. Die Erstinfektion mit EBV

verläuft meist harmlos, jedoch ist das Virus im späteren Verlauf mit multiplen

Krebserkrankungen assoziiert. Geschätzt sind etwa 1,8% aller Krebserkrankungen weltweit

EBV-bedingt. Insbesondere Immunsupprimierte nach Organtransplantation sind gefährdet für

das Entwickeln einer lymphoproliferativen Erkrankung. Das Risiko für diese sogenannten

PTLDs ist besonders bei EBV-negativen Empfängern und EBV-positiven Organdonoren

erhöht. Auch eine Erstinfektion unter Immunsuppression steigert das PTLD-Risiko. Diese

Erkrankung ist aufgrund ihrer geringen Behandlungsmöglichkeiten häufig mit einer schlechten

Prognose assoziiert. Eine Risikominimierung ist deshalb unerlässlich.

Bislang gibt es wenige Studien, die sich mit der Reaktivierung von EBV bei

immunsupprimierten Patienten auseinandersetzen. Im Rahmen der vorliegenden Arbeite sollte

eine genauere Charakterisierung des Virus im Speichel transplantierter Patienten und somit

genauere Kenntnis über die Infektiosität und Virusherkunft erreicht werden.

Hierfür wurden Rachenspülwasserproben von 51 transplantierten Patienten, darunter 10

antiviral behandelte Patienten, und 49 dialysepflichtigen Patienten mit chronischem

Nierenversagen untersucht. Des Weiteren wurden Proben von 30 an Infektiöser Mononukleose

erkrankter Patienten und einem Kontrollkollektiv von 25 nicht-immunsupprimierten Personen

ohne akute Symptomatik einer EBV-Infektion analysiert.

Es zeigte sich eine deutlich häufigere und signifikant höhere Abgabe von EBV im Speichel der

transplantierten Patienten im Vergleich zu Gesunden oder chronisch nierenerkrankten

Patienten. Die Virustiter waren bei transplantierten Patienten im Mittel höher als bei akut an

infektiöser Mononukleose erkrankten Patienten. Die gewonnen Viruspartikel waren bei allen

untersuchten Kollektiven in der Lage B-Zellen zu infizieren. Eine Transformation der

infizierten B-Zellen konnte nur bei einigen Proben transplantierter Patienten beobachtet werden. Der Grund hierfür blieb unklar. Dies unterstützt die Hypothese, dass mehrere EBV-Stämme existieren, welche sich in ihrer Transformationsfähigkeit unterscheiden. Eine genauere Analyse der zellulären Probenbestandteile zeigte eine Korrelation zwischen EBV-positiven Zellen und Virustiter im zellfreien Rachenspülwasser. Die EBV-positiven Zellen konnten als B-Zellen identifiziert werden, dies liefert weitere Hinweise für die bislang nicht abschließend geklärte Virusherkunft im Speichel. Zudem konnten in dem untersuchten Kollektiv 10 antiviral behandelte Transplantationspatienten identifiziert werden. Verglichen mit den nicht antiviralbehandelten Patienten zeigten sich in den Proben eine signifikant geringere Viruslast im Speichel und eine geringere Viruslast in den zellulären Bestandteilen der Proben.

Insgesamt konnte somit gezeigt werden, dass transplantierte Patienten infektiöse EBV-Partikel in deutlich höherem Umfang ausscheiden als bislang angenommen. Dies ist klinisch relevant, weil insbesondere die Ansteckung vormals EBV-negativer transplantierter Patienten mit einem deutlich erhöhten Risiko für PTLDs einhergeht. Zudem ergeben sich durch den Nachweis infizierter B-Lymphozyten im Oropharynx weitere Hinweise für ein genaueres Verständnis der Virusproduktion und -transmission, welche sicherlich Grundlage zukünftiger Therapieansätze sein werden. Bisherige Studienergebnisse einer erfolgreichen Reduktion der Viruslast mittels antiviraler Therapie konnten hier, wenn auch in geringer Anzahl, bestätigt werden und könnten ebenfalls zu einer Reduktion des Ansteckungsrisikos beitragen.

Die vorliegende Arbeit konnte somit weitere Einblicke in die Charakteristika eines der weltweit relevantesten Viren geben. Es bleibt jedoch sicherlich Gegenstand zahlreicher Studien, genetische Unterschiede, Transformationsfähigkeit, Infektiosität und mögliche Therapieoptionen weiter zu untersuchen.